

**COLABORACIÓN ESPECIAL**

Recibido: 10 de agosto de 2018  
Aceptado: 3 de junio de 2019  
Publicado: 10 de julio de 2019

**MÉTODOS INDIRECTOS PARA LA ESTIMACIÓN DE POBLACIONES OCULTAS:  
SEGUNDA PARTE (\*)**

**Rocío Lorenzo-Ortega (1), José Pulido (2,3,4), Ana Martínez-Santos (5), Isabel Ruiz-Pérez (2,6), Juan Hoyos (2,3,4) y Luis Sordo (2,4).**

- (1) Servicio de Medicina Preventiva. Hospital Virgen de la Victoria. Málaga. España.
- (2) Centros de Investigación Biomédica en Red en Epidemiología y Salud Pública (CI-BERESP). Madrid. España.
- (3) Escuela Nacional de Sanidad. Instituto de Salud Carlos III. Madrid. España.
- (4) Departamento de Salud Pública y Materno-Infantil. Facultad de Medicina. Universidad Complutense de Madrid. España.
- (5) School of Health Sciences. Salford University. Manchester. Reino Unido.
- (6) Escuela Andaluza de Salud Pública. Granada. España.
- (\*) Financiación: parcialmente financiado por “Ministerio de Economía y Competitividad, Actuación de Formación Posdoctoral” (FPDI-2013-15827)”.

**RESUMEN**

Las poblaciones ocultas, aquellas difíciles de identificar por tener características estigmatizadoras o ilegales, suelen dar problemas a la hora de determinar su tamaño o prevalencia en determinados contextos. Los métodos tradicionales o directos, como las encuestas poblacionales, no suelen servir para este cometido. Los métodos indirectos, que parten de fuentes de datos incompletas para estimar la prevalencia real de la población, sí pueden ser útiles.

Este trabajo completa el artículo original publicado en 2017 por Revista Española de Salud Pública sobre métodos indirectos para la estimación de poblaciones ocultas. Se exponen cuatro métodos diferentes, cada uno de los cuales tiene distintas indicaciones dependiendo de los datos de los que dispongamos y diferentes sesgos que deben valorarse detenidamente para realizar una estimación lo más cercana posible a la realidad.

**Palabras clave:** Poblaciones ocultas, Métodos epidemiológicos, Vigilancia epidemiológica, Recogida de datos.

**ABSTRACT****Indirect methods to estimate hidden population: Second part**

“Hidden populations” are difficult to identify because they have stigmatizing or illegal characteristics. For that reason, determining their size or prevalence in certain contexts is complicated. In those populations, traditional or direct methods, as population surveys, do not usually serve for this purpose, but indirect methods, based on incomplete data sources, can be useful.

This work completes the original article published in Revista Española de Salud Pública in 2017: “Indirect methods to estimate hidden populations”. Different methods are exposed, showing their indications and bias. To make an estimation as real as possible it is necessary to evaluate carefully the data available and analyze the risk of bias.

**Key Words:** Hidden populations, Epidemiologic study, Epidemiological monitoring, Data collection.

Correspondencia:  
José Pulido  
Escuela Nacional de Sanidad  
Instituto de Salud Carlos III  
Monforte de Lemos 6  
28029, Madrid  
josepulido@ucm.es

Cita sugerida: Lorenzo-Ortega R, Pulido J, Martínez-Santos A, Ruiz-Pérez I, Hoyos J, Sordo L. Métodos indirectos para la estimación de poblaciones ocultas: Segunda parte. Rev Esp Salud Pública. 2019;93: 10 de julio e201907033.

## INTRODUCCIÓN

Para poder calcular el tamaño de las llamadas “poblaciones ocultas” (aquellas difíciles de identificar, generalmente por tener características estigmatizadoras o ilegales), los métodos más utilizados son los llamados métodos indirectos. Estos, parten de la premisa de que las fuentes de datos disponibles no son completas, por lo que realizan diferentes cálculos para estimar la prevalencia real de la población<sup>(1,2)</sup>.

Existen diversos métodos indirectos, de sencilla aplicación y que pueden ayudar al investigador a conocer el tamaño de estas poblaciones. El original publicado en 2017 por Revista Española de Salud Pública<sup>(2)</sup> sobre estos métodos indirectos introducía en el conocimiento de cuatro de ellos: Captura-recaptura, Método Multiplicador, Poisson Truncado y Muestreo dirigido por participantes.

El propósito de este artículo es completar la revisión de este original con otros métodos muy útiles para obtener estimaciones de la prevalencia de poblaciones de difícil acceso: Método del indicador multivariado, Random walk, network Scale-up y métodos adaptativos geográficos.

## MÉTODO INDICADOR MULTIVARIADO

Este método realiza estimaciones del tamaño de una población mediante la extrapolación de información de poblaciones en las que se dispone de datos (población de calibración) a la que queremos calcular (población objetivo). Y lo hace a través de variables de interés que están en ambas poblaciones<sup>(3)</sup>. Esto se realiza mediante la relación existente entre la variable de estudio y otras variables relacionadas con ella.

Para comprenderlo mejor, partamos de un ejemplo. Si deseamos estimar la prevalencia de usuarios de drogas en un país, necesitaríamos disponer de información de un conjunto de indicadores relacionados con el consumo de drogas (por ejemplo, número de personas en

tratamiento por drogodependencia, número de arrestos relacionados con drogas, número de muertes relacionadas con drogas, etc.) en todas las regiones en las que se divide administrativamente dicho país. A estos indicadores se les denomina predictores. Por otro lado necesitaremos conocer la prevalencia de consumo de drogas en algunas de estas regiones (poblaciones de calibración), a las que llamaremos puntos de anclaje<sup>(3,4)</sup>. Una vez conocida esta información, se establece una relación entre los puntos de anclaje y los predictores mediante una regresión de mínimos cuadrados<sup>(3)</sup>, permitiendo así estimar la prevalencia de consumo de drogas en las regiones que carecieran de esta información. Por último, se estimaría la prevalencia de consumo de drogas en todo el país mediante la suma de las estimaciones de las prevalencias regionales<sup>(3)</sup>.

Así, si disponemos de los datos completos de prevalencia de usuarios de drogas en la comunidad de Madrid, así como del número de personas que se encuentran en tratamiento por esta adicción, los arrestos relacionados o el número de muertes relacionadas con el consumo de sustancias, podría inferirse qué ocurre en otras comunidades en las que solo tenemos información parcial.

El punto clave de este método, por tanto, es realizar una correcta asociación entre la información que desea estimar (Ej: Número de usuarios de drogas) que sería nuestra “variable dependiente”, y los predictores (Ej: Número de personas en tratamiento por consumo de drogas, número de arrestos relacionados con drogas) en nuestra muestra de calibración, y que ésta sea transferible a todas las demás áreas<sup>(4,5)</sup>. Dicho de otra forma, si existe una relación entre el tamaño de una población y varios de sus indicadores, cuando no conozcamos este tamaño podremos valernos de los indicadores para inferirlo.

Este método no está exento de limitaciones. La asunción de la existencia de una relación lineal entre las prevalencias no observadas y los indicadores observados es el principal

componente a valorar<sup>(3)</sup>. Además, otros factores pueden influir en los indicadores y pueden invalidar el supuesto de linealidad. Siguiendo con el ejemplo antes expuesto, se podría pensar que un aumento en la prevalencia de usuarios de drogas llevaría a un número creciente de adictos en tratamiento; sin embargo, el número de adictos en tratamiento puede verse restringido por la capacidad de los servicios de tratamiento. Para la bondad en la aplicación de este método, debe analizarse con cuidado la comparabilidad de los indicadores entre la población objetivo y la de calibración. En este mismo sentido, la confiabilidad y la validez de los puntos de anclaje son de importancia crucial para la estimación; si las estimaciones se obtienen a través de técnicas diferentes, o se refieren a periodos de tiempo diferentes, pueden representar diferentes poblaciones de usuarios de drogas y esto influiría en la validez de la estimación nacional<sup>(3)</sup>. Esta validez se puede mejorar aumentando el número de puntos de anclaje<sup>(4)</sup>, lo que además es útil teniendo en cuenta que el número de puntos de anclaje debe ser superior al número de indicadores, pues de lo contrario no es posible establecer una regresión entre los mismos<sup>(4)</sup>.

Debemos tratar de minimizar todas estas limitaciones a la hora de aplicar este método, ya que, aunque se trate de inferencias y estimaciones y estas siempre lleven implícito un margen de error, nuestro objetivo es hacer dicho error lo más pequeño posible y obtener una estimación válida y exhaustiva.

Existen múltiples ejemplos prácticos de la aplicación de esta metodología que pueden ayudar a comprender mejor la misma<sup>(3,4)</sup>.

## MÉTODORANDOM WALK

Es una técnica que para calcular el tamaño de la población objetiva, contacta con sus miembros a través de nominaciones de sus contactos sociales<sup>(6)</sup>. Los reclutadores comienzan por seleccionar varias personas como informantes (por ejemplo, consumidores de drogas); este informante les ofrece una lista de posibles personas a riesgo, entre las cuales

los reclutadores seleccionan aleatoriamente a una de ellas, que de nuevo les ofrece una lista de personas a riesgo entre sus contactos, de las cuales se selecciona aleatoriamente una, que ofrecerá otra lista de personas a riesgo, y así sucesivamente (figura 1).

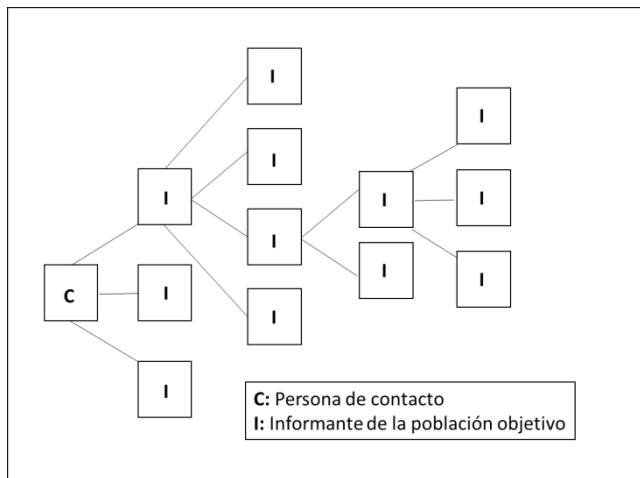
A medida que el Random-walk se introduce en la población, cada persona de la población objetivo tiene una probabilidad estadísticamente no nula de ser seleccionada<sup>(7)</sup>.

Es un método incluido dentro de los basados en redes sociales (entendiendo este término como el conjunto de individuos con algún tipo de relación personal o interés en común). Es muy similar al RDS (Respondent driven sampling) expuesto en el artículo anterior<sup>(2)</sup>, pero su principal diferencia radica en que mientras en el método RDS los propios participantes nominan a los participantes de la siguiente ola y son compensados mediante diversos incentivos, en el método random walk el participante facilita un listado de personas de su red social que cumplen los requisitos para ser elegidos, y es el propio investigador quien elige aleatoriamente entre las personas de esa lista al siguiente participante.

Si el método random walk es implementado correctamente puede producir una muestra altamente representativa de la población objetivo<sup>(7)</sup>. Sin embargo, existe la posibilidad de que aparezca un sesgo de muestreo si la población contiene múltiples redes que no están conectadas entre sí<sup>(7)</sup>. Si todos los miembros de la población estuviesen interconectados (situación ideal pero no real), todos serían alcanzables a través de una sola semilla. Pero al existir grupos aislados pequeños, estos se escapan del marco de muestreo. Para reducir este sesgo se deben seleccionar múltiples “semillas” en diferentes redes<sup>(7)</sup>. En el ejemplo expuesto, para calcular el número de usuarios de drogas en una ciudad no bastaría con partir de uno solo. Tendríamos que buscar varios, distribuidos por diferentes zonas de la misma.

Otros posibles sesgos ocurren cuando el informante no se siente seguro a la hora de

**Figura 1**  
**Diseño de un estudio de estimación de prevalencias según el método Random-walk.**



Fuente: Elaboración propia. Basado en el modelo expuesto en Bell DC, Erbaugh EB, Serrano T, Dayton-Shotts CA, Montoya ID. A comparison of network sampling designs for a hidden population of drug users: Random walk vs. respondent-driven sampling. Soc Sci Res. 2017;62:350-361.

divulgar información acerca del comportamiento de sus redes sociales, o se siente especialmente motivado a hacerlo por cualquier circunstancia, ofreciendo información no veraz en cualquiera de los dos casos. Para minimizar este sesgo, los investigadores deben involucrarse con los sujetos y reclutarlos personalmente, aumentando la confianza que los participantes depositan en ellos, aunque esto requiera una mayor inversión de tiempo y recursos<sup>(7)</sup>.

### THE NETWORK SCALE-UP METHOD

Se trata de otro método basado en redes sociales. Este método asume que las redes sociales de las personas son representativas de la población general en la que viven<sup>(8,9)</sup>. A partir de este supuesto, se observa el número de individuos que presentan una característica en la red social de una persona y se extrapola esta información a la población general.

Siguiendo con el ejemplo de los usuarios de drogas, si un individuo (perteneciente a la población objetivo o no) conoce a 300 personas, y sólo dos de ellas son usuarias de drogas, asumimos que en la población general esta proporción se mantendrá igual, es decir 2/300 personas serían usuarias de drogas<sup>(8)</sup>. Combinando la información sobre las redes sociales de muchas personas, podremos determinar el tamaño de la población oculta con una sencilla fórmula (ver figura 2) que consiste básicamente en dividir el número de personas que cumplen los criterios de la población oculta a estudiar conocidos por los sujetos entrevistados entre la suma de sus redes sociales multiplicado por el tamaño de la población general.

La dificultad principal estriba en la capacidad de estimar la verdadera red social de cada persona<sup>(10)</sup>. Para ello existen dos métodos:

**Figura 2**  
**Fórmula utilizada para la estimación del tamaño de la población oculta según el método Network Scale up.**

$\frac{\sum_i m_i}{\sum_i \hat{c}_i} = \frac{\hat{e}}{N}$	$\hat{e}$ = tamaño estimado de la población oculta $m_i$ = nº individuos de la población oculta conocidos por el entrevistado $\hat{c}_i$ = Tamaño estimado de la red social del entrevistado $N$ = Tamaño de la población general
$\hat{e} = \frac{\sum_i m_i}{\sum_i \hat{c}_i} \cdot N$	$\sum_i m_i$ = Sumatorio del nº individuos de la población oculta conocidos por los entrevistados $\sum_i \hat{c}_i$ = Sumatorio de la estimación del tamaño de las redes sociales de los entrevistados

Fuente: Elaboración propia, basado en el modelo del artículo de Bernard HR, Hallett T, Iovita A, Johnsen EC, Lyerla R, McCarty C, et al. Counting hard-to-count populations: the network scale-up method for public health. *Sex Transm Infect.* 2010;86 (Suppl 2):ii11-ii15.

a) **Método de la población conocida.** Mediante esta técnica se intenta cuantificar el número de sujetos conocidos por las personas entrevistadas de entre varios grupos de población cuyo tamaño se conoce a priori, incluyendo poblaciones diferentes a la población oculta de interés<sup>(8,10)</sup>. Por ejemplo, si se quiere conocer la población de diabéticos mayores de 18 de años en España, con esta técnica se preguntaría a los sujetos con esta enfermedad cuántos de sus contactos la padecen. Si un diabético dice conocer a 22, y se sabe que en España hay aproximadamente 5,3 millones de diabéticos mayores de 18 años y una población total de 38,2 millones de españoles con esa edad<sup>(11)</sup> se asume con una sencilla “regla de tres” que el número de personas conocidas por el entrevistado es de 159. Para reducir la varianza de la estimación, se recomienda indagar en al menos 20 subpoblaciones diferentes<sup>(8)</sup>.

b) **Método de la suma.** Mediante esta técnica se intenta cuantificar el número de personas que cumplen los criterios de la población de estudio en cada uno de sus grupos sociales: familia, amigos, vecinos, compañeros de trabajo, etc. La suma de personas referidas en estas categorías nos proporcionaría una estimación del tamaño de su red personal<sup>(8,10)</sup>. Este método es más sencillo, pero requiere de una buena definición de las categorías, procurando no olvidar ninguna, pues de lo contrario caeríamos en una infraestimación, y que sean excluyentes entre sí, para no contabilizar un mismo conocido en dos categorías diferentes, lo que conduciría a una sobreestimación<sup>(8)</sup>.

Una vez calculado el número de personas que conoce el entrevistado (denominador), pasamos a preguntar por nuestra variable de interés: Número de personas usuaria de drogas

de su red social (numerador). Continuando con el ejemplo inicial, si el entrevistado conoce a 2 personas usuarias de drogas, y su red social la componen 159 personas (estimado con el método de la población conocida), suponemos que 2/159 personas en España son usuarias de drogas. Según el INE<sup>(11)</sup>, en España hay 46,5 millones de personas, por lo que estimamos que existen 584.906 personas usuarias de drogas en España.

Este cálculo se repite con numerosos entrevistados, y aplicando la fórmula de la **figura 2**, podemos tener una estimación del tamaño de la población oculta.

Al igual que el resto de métodos, este no está exento de sesgos; el principal de ellos es el llamado **sesgo de transmisión**<sup>(8)</sup>, en el cual el entrevistado no conoce todos los aspectos de la vida de sus contactos, lo que ocurre frecuentemente; y más en nuestro caso en particular, cuando se trata de actividades socialmente estigmatizadas. Otro es el llamado **sesgo de barrera**<sup>(8)</sup>, el tener contactos entre la población de estudio puede depender de barreras físicas o sociales como la raza, la etnia, la ocupación o el lugar de residencia. Otro sesgo que nos podríamos encontrar sería el sesgo del recuerdo, en el cual, el entrevistado no puede recordar correctamente la cantidad de personas que conoce de una subpoblación, o no puede hacerlo en el marco de tiempo permitido por el estudio<sup>(10)</sup>.

A pesar de ello, es un método que también tiene numerosas ventajas: no pregunta directamente a los encuestados sobre sus características, sino por las personas que conoce que presentan dichas características, facilitando una enumeración anónima de contactos; esto hace que disminuya la carga del estigma en los entrevistados<sup>(10)</sup>. En segundo lugar, como no necesitamos entrevistar directamente a los miembros de una población oculta, sino a población general, podemos realizar técnicas de muestreo generales que son más baratas y

fáciles de implementar<sup>(10)</sup>. Otra de las ventajas es que se puede usar para producir estimaciones para varias poblaciones ocultas diferentes simultáneamente y, además, puede aplicarse fácilmente a poblaciones de tamaño conocido, lo que nos serviría para valorar la validez del propio método<sup>(12)</sup>.

El Network scale-up es un método eficiente. Su capacidad para generar estimaciones precisas de estas poblaciones utilizando marcos de muestreo convencionales y técnicas de encuesta lo convierte en un método considerablemente más barato y rápido que las técnicas comúnmente utilizadas para estudiar poblaciones ocultas<sup>(10)</sup>. Debido a esto, se está utilizando en estudios en todo el mundo, y su uso se está ampliando cada vez más<sup>(8,9,10,12,15)</sup>. Es una de las técnicas más utilizadas actualmente en diferentes campos de la salud pública<sup>(9,14,15)</sup>.

## MÉTODOS ADAPTATIVOS GEOGRÁFICOS

Los métodos adaptativos son aquellos que tras una muestra aleatoria inicial, van incluyendo participantes en función de sus respuestas y la información recopilada durante el estudio. En este caso en particular, esta adaptación se basa en la localización, ya que los investigadores usan relaciones geográficas entre personas para encontrar otras personas que incluir en la muestra.

Existen varios métodos adaptativos geográficos.

**1) Método de la asignación adaptativa:** el punto de partida es una muestra obtenida utilizando un diseño convencional, como el muestreo aleatorio simple o estratificado. Posteriormente se examina esta muestra en busca de evidencia de que algunas áreas geográficas exhiben más comportamientos de interés que otras, según los valores observados en algunas variables clave. Se continúa entonces el muestreo concentrándose en estas áreas<sup>(16)</sup>.

Siguiendo con el ejemplo de las anteriores metodologías, si queremos conocer el número de jóvenes que están en riesgo de convertirse en usuarios de drogas, se puede tomar una muestra aleatoria estratificada inicial, que mida las variables clave que, se sabe, indican el riesgo de inicio del consumo de drogas (absentismo escolar, creencias sobre los niveles normativos de las drogas...). A continuación, en áreas geográficas donde aparece una alta concentración de riesgo, se asignan más recursos de muestreo y se toma una muestra más grande para continuar el estudio<sup>(16)</sup>.

**2) Muestreo adaptativo por conglomerados:** al igual que en modelo anterior, se selecciona una muestra inicial con un diseño de muestreo convencional. Cuando encontremos un individuo que presente nuestra variable de interés, las unidades (casa, colegio, familia...) del vecindario de esa unidad se agregan a la muestra. Si, a su vez, un individuo de cualquiera de las unidades agregadas satisface la condición, se agregarán aún más unidades, y así sucesivamente<sup>(16)</sup>. Por ejemplo, un estudio de personas que consumen drogas podría comenzar tomando una muestra aleatoria de hogares. Siempre que se encuentre que un hogar contiene una persona usuaria de drogas, se tomarán muestras de las casas vecinas. Si a su vez cualquiera de estas casas contiene una persona usuaria de drogas, se tomarán muestras de las casas vecinas, y así sucesivamente<sup>(17)</sup>.

Sin embargo, estos métodos tienen una limitación importante: Ambos parten de un muestreo aleatorio, y por lo tanto podemos encontrar que las variables de interés (consumo de drogas, VIH, prostitución, etc.) propias de algunas poblaciones ocultas, que no se distribuyen aleatoriamente en la población, sean de difícil detección en este primer paso.

Además de todos los métodos descritos tanto en este artículo como en el anterior<sup>(2)</sup>, existen muchos más pero de mayor complejidad

estadística y metodológica<sup>(18,19,20)</sup>, que quedan fuera de los objetivos de este artículo.

## CONCLUSIONES

Como hemos podido comprobar tanto en este artículo como en el anterior<sup>(2)</sup>, disponemos de diferentes formas para estimar el tamaño de poblaciones ocultas, pero ninguna de ellas está exenta de limitaciones ni puede considerarse como el método ideal (tabla 1). La elección de la técnica dependerá de los datos de los que dispongamos, del objetivo de nuestro estudio y del tipo de población a la que queramos acceder.

Además, siguiendo las recomendaciones de la literatura revisada para la estimación de la prevalencia de las poblaciones ocultas, lo más correcto sería aplicar varios métodos sobre la misma población evaluando cuidadosamente las limitaciones de cada uno de ellos y comparando los diferentes resultados obtenidos y su coherencia con la realidad. Finalmente, señalar que los métodos desarrollados en este y en el anterior artículo<sup>(2)</sup> pueden ser muy útiles integrados en sistemas de vigilancia de poblaciones ocultas. La estimación repetida y periódica del tamaño de estas poblaciones, aun con las debilidades señaladas, puede ser una excelente herramienta para describir tendencias.

## BIBLIOGRAFIA

1. United Nations Office on Drugs and Crime. Estimating Prevalence: Indirect Methods for Estimating the Size of the Drug Problem Estimating Prevalence: Austria. 2003.
2. Lorenzo Ortega R, Sonego M, Pulido J, González Crespo A, Jiménez-Mejías E, Sordo L. Métodos indirectos para la estimación de poblaciones ocultas. Rev Española Salud Pública. 2017;91:e1-9.
3. Kraus L, Augustin R, Frischer M, Kummler P, Uhl A, Wiessing L. Estimating prevalence of problem drug use at national level in countries of the European Union and Norway. Addiction. 2003;98:471-85.
4. Sirbiladze T, Tavzarashvili L, Chikovani I, Shengelia N, Sulaberidze L. Population Size Estimation of People Who Inject Drugs in Georgia 2014. 2015:47.

5. Frischer M, Hickman M, Kraus L, Mariani F, Wiessing L. A comparison of different methods for estimating the prevalence of problematic drug misuse in Great Britain. *Addiction*. 2001;96:1465–76.
6. Bauer JJ. Biases in Random Route Surveys. *J Surv Stat Methodol*. 2016;4:263–287.
7. Bell DC, Erbaugh EB, Serrano T, Dayton-Shotts CA, Montoya ID. A comparison of network sampling designs for a hidden population of drug users: Random walk vs. respondent-driven sampling. *Soc Sci Res*; 2017;62:350–61.
8. Bernard HR, Hallett T, Iovita A, Johnsen EC, Lyerla R, McCarty C, et al. Counting hard-to-count populations: the network scale-up method for public health. *Sex Transm Infect*. 2010;86(Suppl 2):ii11–ii15.
9. Mohebibi E, Baneshi MR, Haji-Maghsoodi S, Haghdoost AA. The application of network scale up method on estimating the prevalence of some disabilities in the Southeast of Iran. *J Res Health Sci*. 2014;14(4):272–5.
10. Habecker P, Dombrowski K, Khan B. Improving the network scale-up estimator: Incorporating means of sums, recursive back estimation, and sampling weights. *PLoS One*. 2015;10(12):1–16.
11. Instituto Nacional de Estadística. (Spanish Statistical Office). Consultado 19 Junio 2018. Disponible en: <http://www.ine.es/>
12. Feehan DM, Umubyeyi A, Mahy M, Hladik W, Salganik MJ. Quantity Versus Quality: A Survey Experiment to Improve the Network Scale-up Method. *Am J Epidemiol*. 2016;183(8):747–57.
13. Feehan DM, Salganik MJ. Generalizing the Network Scale-Up Method: A New Estimator for the Size of Hidden Populations. *Sociol Methodol*. 2016;70(12):773–9.
14. Jing L, Lu Q, Cui Y, Yu H, Wang T. Combining the randomized response technique and the network scale-up method to estimate the female sex worker population size: an exploratory study. *Public Health*. 2018;160:81–6.
15. Sajjadi H, Shushtari ZJ, Shati M, Salimi Y, Dejman M, Vameghi M, et al. An indirect estimation of the population size of students with high-risk behaviors in se-lect universities of medical sciences: A network scale-up study. *PLoS One*. 2018;13(5):1–11.
16. Thompson SK, Collins LM. Adaptive sampling in research on risk-related behaviors. *Drug Alcohol Depend*. 2002;68:57–67.
17. Gonsalves GS, Crawford FW, Cleary PD KE. An Adaptive Approach to Locating Mobile HIV Testing Services. *Med Decis Mak*. 2018;38(2):262–72.
18. Johnston LG, McLaughlin KR, Rouhani SA, Bartels SA. Measuring a hidden population: A novel technique to estimate the population size of women with sexual violence-related pregnancies in South Kivu Province, Democratic Republic of Congo. *J Epidemiol Glob Health* . Ministry of Health, Saudi Arabia; 2017;7(1):45–53.
19. Tilling K, Sterne JAC. Capture-recapture models including covariate effects. *Am J Epidemiol*. 1999;149(4):392–400.
20. Sopko B, Škařupová K, Nečas V, Mravčík V. Estimation of problem drug users in prague in 2011 from low-threshold data: Modified capture-recapture method, adjusted for clients avoiding any identification (non-coded clients). *Cent Eur J Public Health*. 2016;24(1):39–44.



**Tabla 1**  
**Resumen métodos indirectos de cálculo de poblaciones de difícil acceso**

MÉTODO	DESCRIPCIÓN	REQUISITOS	LIMITACIONES/SESGOS	EJEMPLO
<b>Método Indicador Multivariado</b>	Extrapolación de poblaciones en las que se dispone de datos (población de calibración) a poblaciones en las que no se dispone de ellos (población objetivo).	Disponer de indicadores relacionados con el comportamiento de la población que queremos conocer, en todas las áreas en las que se distribuye esta población (provincia, comunidad, país...).	Se asume la existencia de una relación lineal entre los indicadores observados (predictores) y los puntos de anclaje.	Estimating prevalence of problem drug use at national level in countries of the European Union and Norway. <i>Addiction</i> 2003;98 (0965–2140)
		Conocer la prevalencia de la población que queremos conocer en algunas de estas regiones (poblaciones de calibración).	Se asume que los indicadores de las diferentes regiones son comparables.	
			El uso de puntos de anclaje no válidos o fiables puede dar lugar a estimaciones erróneas.	
<b>Método Random-Walk</b>	A través del contacto con informantes se obtiene información y acceso a la población oculta. Se diferencia del RDS en la aleatorización previa a la selección de los participantes.	Muestra representativa de la población a estudio.	Sesgo de Muestreo: existencia de redes no conectadas entre sí. Algunos miembros de la población escaparían de nuestro muestreo.	A comparison of network sampling designs for a hidden population of drug users: Random walk vs. respondent-driven sampling. <i>Soc Sci Res. Elsevier Ltd;</i> 2017;62:350–61.
		Población de estudio no segmentada, conectada por densas redes sociales.	Sesgo de Información: el informante ofrece información no veraz.	
		Datos autorreportados fiables.		
<b>Método Network Scale-up</b>	Se observa el número de individuos que presentan una característica en la red social de una persona y se extrapola esta información a la población general.	Acceso a la población general a través de encuestas poblacionales u otros métodos de entrevista.	Sesgo de transmisión: el entrevistado no conoce todos los aspectos de sus contactos.  Sesgo de barrera: el tener contactos entre la población de estudio puede depender de barreras físicas o sociales.  Sesgo del recuerdo: el entrevistado no recuerda la cantidad de personas que conoce de una subpoblación.	The application of network scale up method on estimating the prevalence of some disabilities in the Southeast of Iran. <i>J Res Health Sci.</i> 2014;14(4):272–5.
<b>Métodos adaptativos geográficos</b>	Partiendo de un muestreo aleatorio inicial, van incluyendo participantes en función de su localización geográfica.	Población de estudio no segmentada ni aislada geográficamente.	Parten de un muestreo aleatorio simple. Si la variable de interés no se distribuye aleatoriamente en la población, puede que no se detecte ningún individuo que la presente en este primer muestreo y no se pueda continuar con el método adaptativo.	Adaptive sampling in research on risk-related behaviors. <i>Drug Alcohol Depend.</i> 2002;68:57–67.